# Система вторичных посредников. Механизм усиления при трансмембранной передаче информации, роль G-белков и **GTP-связующих белков**

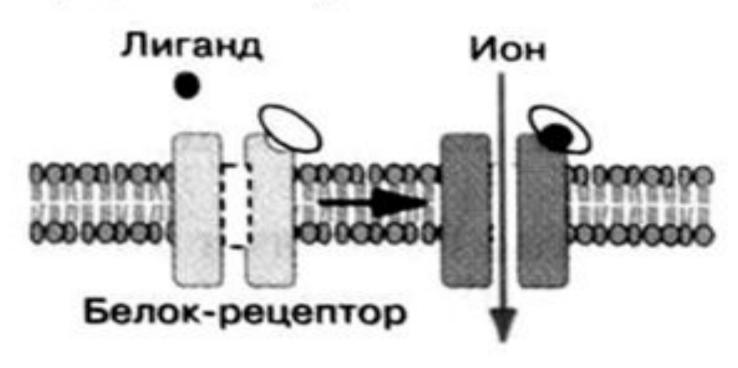


# 1. Строение и механизм действия рецепторов-каналов.

Рецепторы-каналы - никотиновые ацетилхолиновые рецепторы, находящиеся на постсинаптической мембране нервно-мышечного соединения. Никотиновый ацетилхолиновый рецептор представляет собой гликопротеин, состоящий из 5 субъединиц (2α,  $\beta$ ,  $\gamma$ ,  $\delta$ ), которые кодируются 4 разными генами. Он имеет 2 участка для связывания ацетилхолина. Связывание 2 молекул ацетилхолина с рецептором вызывает его конформационные изменения, что приводит к открыванию канала.

Время открытого состояния канала составляет примерно **1 мсек**.

#### б) Регулируемые ионные каналы (ацетилхолин)



## 2. Рецепторы связанные с G-белком

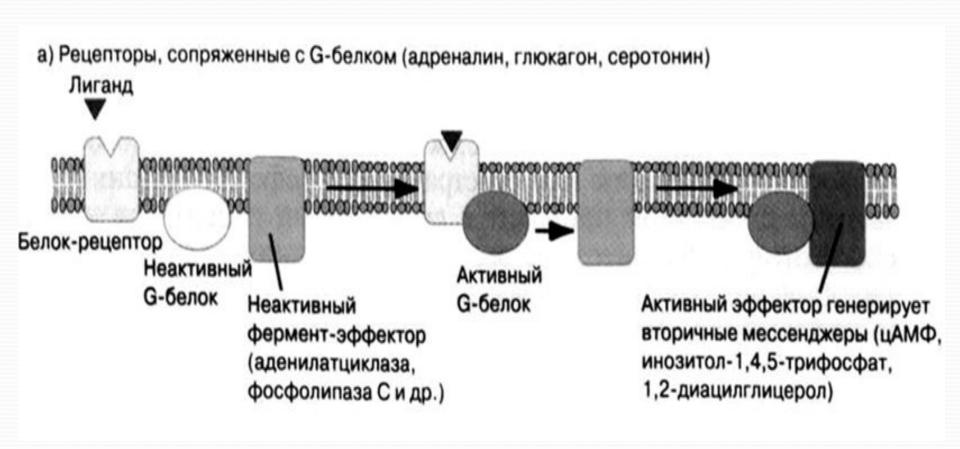
 Функционирование рецепторов, сопряженных с Gбелками, связано с продуцированием вторичных посредников.

#### Общее строение.

Эти рецепторы имеют 7 трансмембранных доменов, каждый из которых содержит 20–25 аминокислотных остатков, образующих α-спираль.

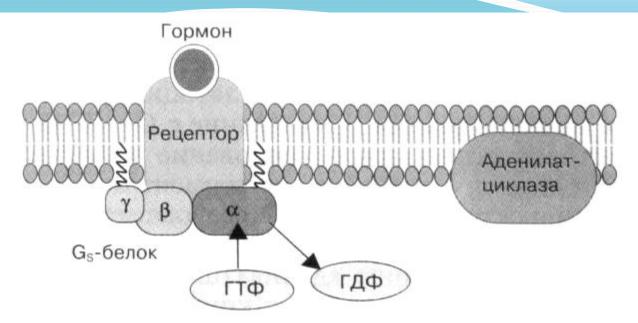
Кроме того, имеется 8 гидрофильных доменов, которые представляют собой чередующиеся внеклеточные и цитоплазматические петли.

## Общее строение.

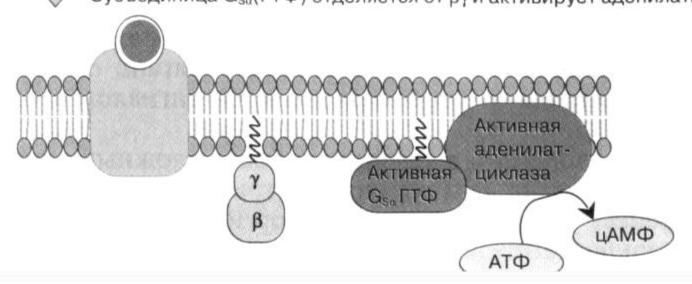


# ТТФ-связующие белки (G-белки)

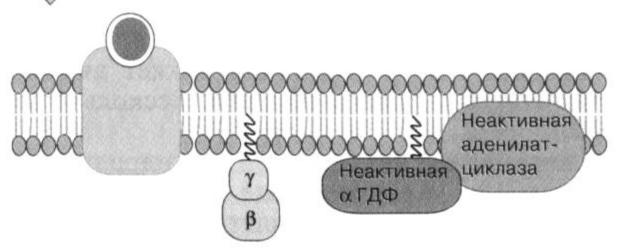
ГТФ-связывающие белки или *G*-белки являются гетеротримерными, состоящие из α, β и γ-субъединиц, взаимодействуют и с рецептором и сэффектором. α-субъединицы участвуют в формировании домена для связывания гуаниновых нуклеотидов и обладают ГТФ-азной активностью.



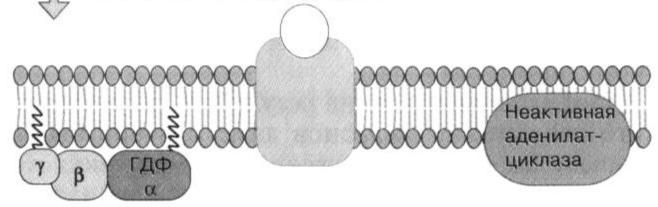
Стадия 1. Связывание лиганда с рецептором приводит к замещению ГДФ на ГТФ в нуклеозидфосфат-связывающем центре  $G_{S\alpha}$ . Субъединица  $G_{S\alpha}$ (ГТФ) отделяется от  $\beta\gamma$  и активирует аденилатциклазу.



**Стадия 2**. ГТФазная активность  $G_{s_{\alpha}}$  приводит к медленному гидролизу ГТФ и инактивации  $G_{s_{\alpha}}$  и аденилатциклазы.



**Стадия 3**. Отделение  $G_{S\alpha}(\Gamma D\Phi)$  от аденилатциклазы и восстановление исходной тримерной структуры  $G_S$ -белка.



Неактивный G<sub>s</sub>-белок

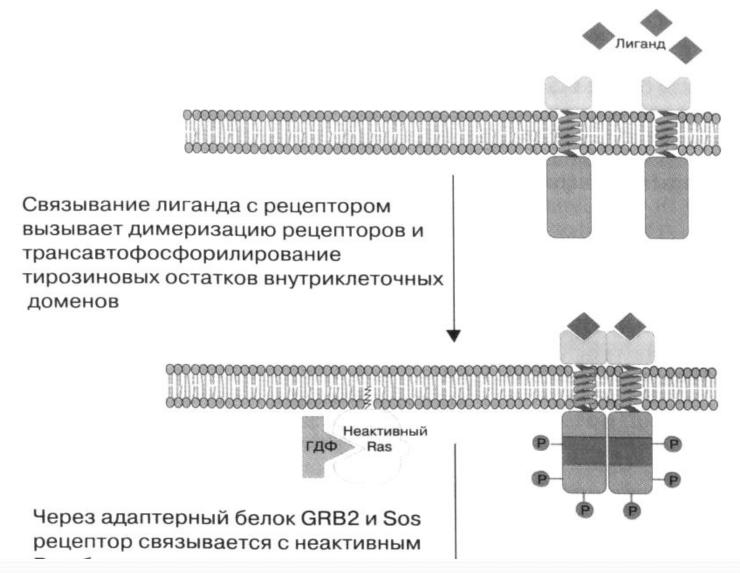
# 3. Рецептор, проявляющий ферментативную активность

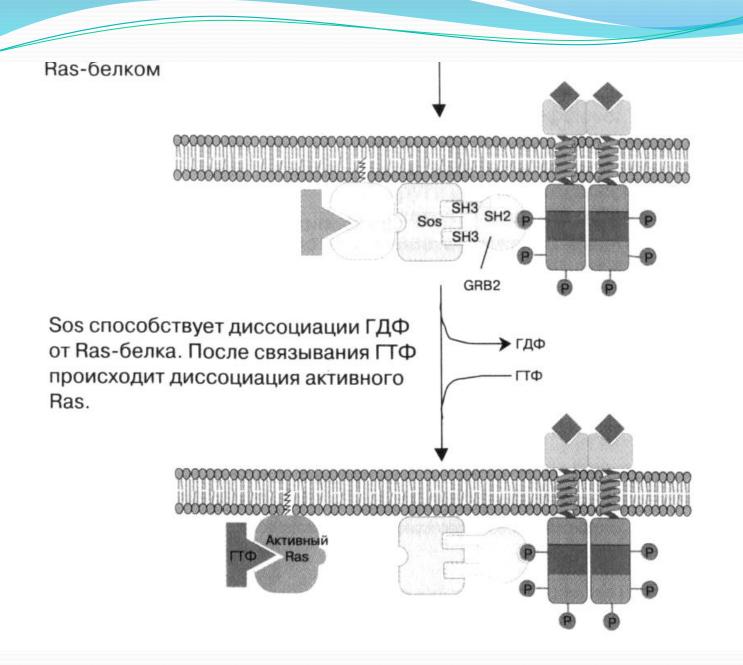
Рецепторные тирозинкиназы. Главная функция - каскадная передача сигналов, регулирующих пролиферацию (разрастание ткани организма путём размножения клеток) и дифференцировку клеток, а также процессы клеточного метаболизма.

Особое значение рецепторных тирозинкиназ – участие в опухолевом процессе. Факторы роста продуцируются опухолевой клеткой и действуют на ее же рецепторы (аутокринная регуляция) или соседние клетки (паракринная регуляция).

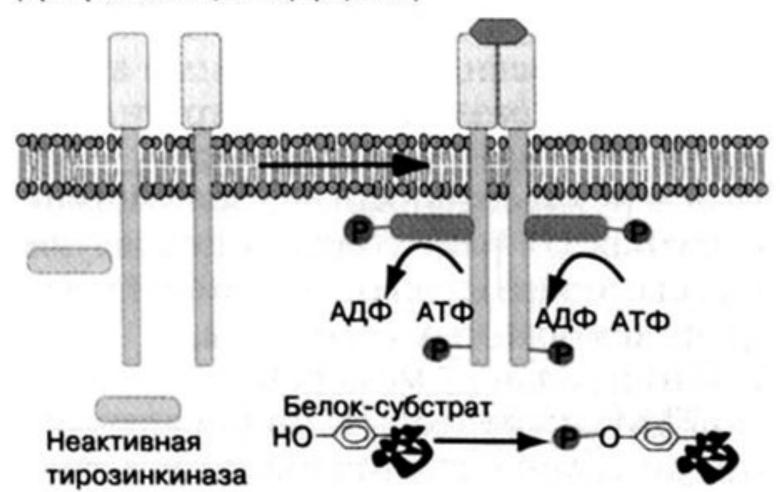
- внеклеточный N-концевой участок, который гликолизирован и является агонист-связывающим участком, обеспечивающи специфичность восприятия сигнала;
- собственно трансмембранный участок, состоящий из гидрофобных аминокислот;
- внутриклеточный тирозиновый домен, аналогичный для всех рецепторных тирозинкиназ.

## Механизм активации димерных рецепторов связанных с тирозинкиназой



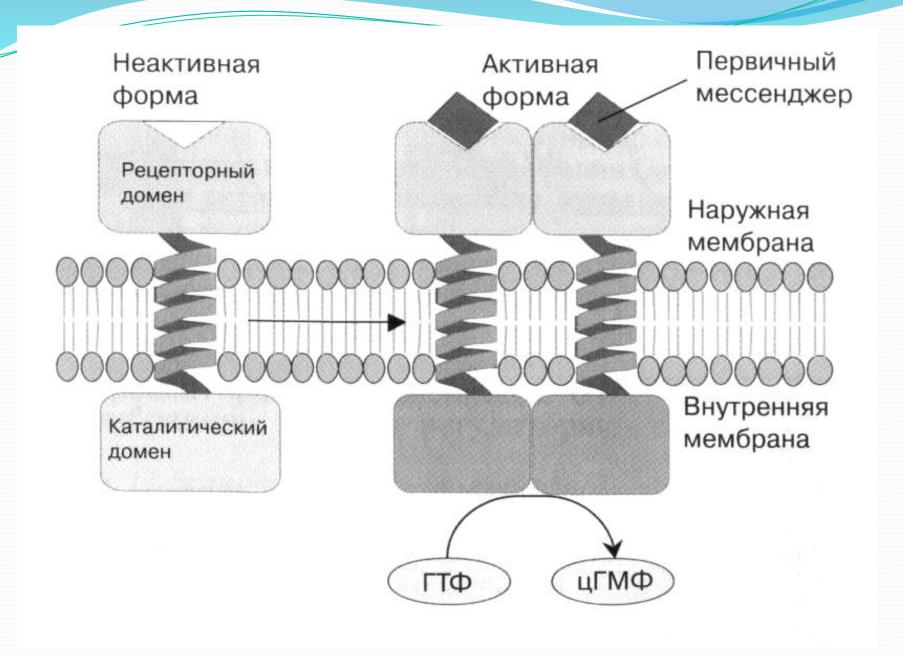


в) Рецепторы, ассоциированные с тирозинкиназой (эритропоэтин, интерфероны)

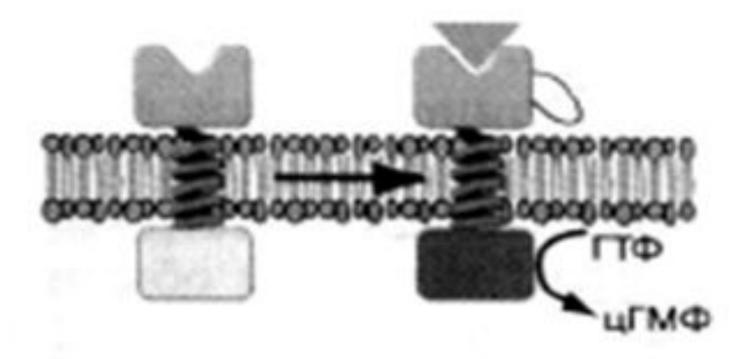


### 4. Мембраносвязанная гуанилатщиклаза.

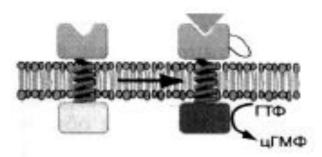
- Фермент состоит из внеклеточного рецепторного домена, одиночного α-спирального трансмембранного сегмента и внутриклеточного каталитического домена.
- В качестве агонистов этого фермента выступают некоторые биогенные пептиды:
- натрийуретический пептид, регулирующий гомеостаз жидкости в организме и кардиососудистую функцию; пептиды, секретируемые яичниками и стимулирующие подвижность сперматозоидов; термостабильные энтеротоксины из E. coli.
- Связывание этих агонистов с внеклеточным рецепторным доменом приводит к димеризации рецепторов и активации каталитического домена.
- Субстратом мембранносвязанной гуанилатциклазы является ГТФ, который превращается ферментом в 3',5'- циклический гуанозинмонофосфат (цГМФ).



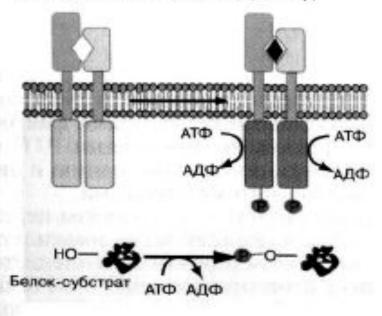
#### г) Рецепторная гуанилатциклаза (основной фактор предсердия)



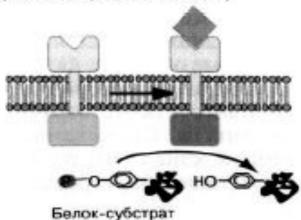
 г) Рецепторная гуанилатциклаза (основной фактор предсердия)



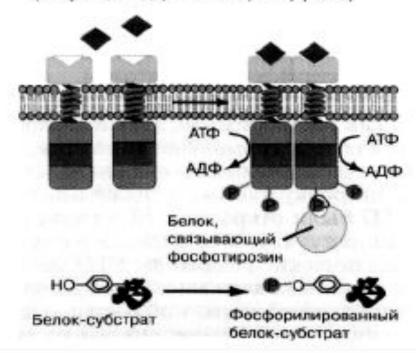
е) Рецепторные серин/треонинкиназы (трансформирующий фактор роста β)



 д) Рецепторная тирозинфосфатаза (лейкоцитарный белок СД45)



 ж) Рецепторные тирозинкиназы (инсулин, эпидермальный фактор роста)



## Система вторичных посредников

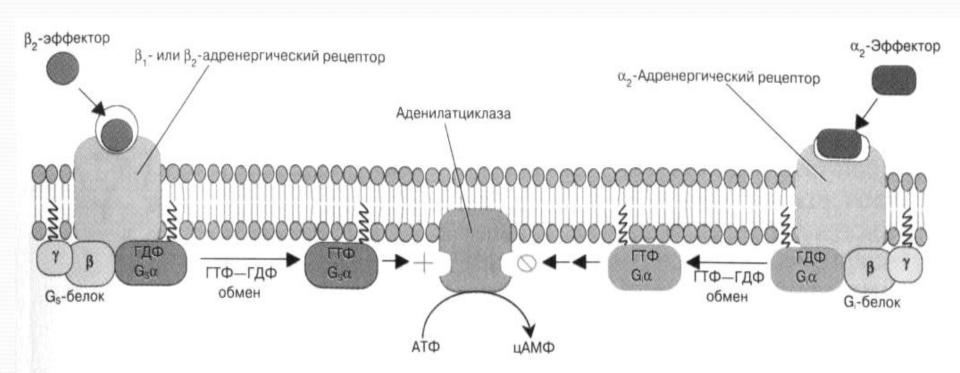
- 1. цАМФ (3,5°-циклический аденозинмонофосфат);
- 2. цГМФ;
- **3.** NO (оксид азота);
- **4.** Ионы Ca<sup>2+</sup>;

#### Эффекты цАМФ:

- Изменение проницаемости мембран
- Синтез стероидных гормонов корой надпочечников
- Секреторные реакции экзо- и эндокринных желез
- Транскрипция генов
- Перемещение внутриклеточных структур
- Подвижность и агрегация у одноклеточных организмов

Критерии цАМФ как регулятора (распространяются и на другие сигнальные внутриклеточные молекулы)

- Химический агент должен стимулировать активность аденилатциклазы в препаратах чувствительной ткани.
- В ответ на действие химического агента должна возрастать концентрация цАМФ в ткани.
- Косвенное доказательство участия цАМФ в реакции потенцирование гормонального эффекта ингибиторами фосфодиэстеразы.
- Воспроизведение гормонального эффекта с помощью цАМФ или его производного (например, дибутирилцАМФ).



#### Описание к рисунку с предыдущего слайда

Активация фермента (аденилатциклаз) происходит в результате взаимодействия стимулирующего (Gs) ГТФ-связывающего с α-субъединицей белка. Примером рецепторов, активирующих аденилатциклазу через стимулирующий ГТФ-связывающий белок, являются β-адренергические рецепторы.

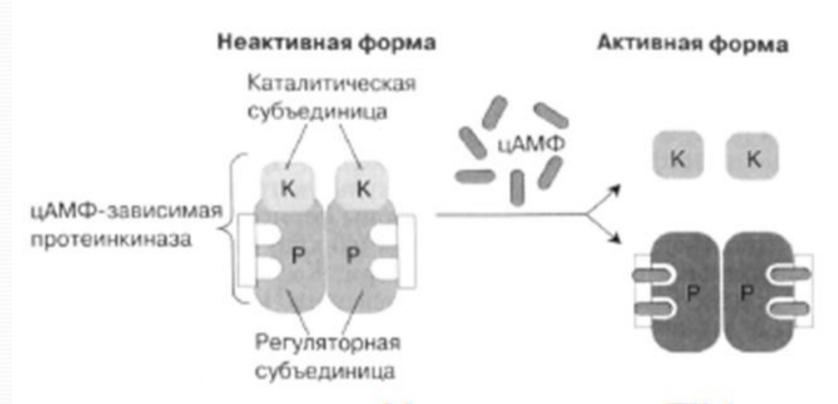
**α2-Адренергические рецепторы** же связаны с ингибирующим (Gi ) ГТФ-связывающим белком.

**Аденилатциклаза** представляет собой интегральный белок, полипептидная цепь которого образует 12 гидрофобных доменов, встроенных в цитоплазматическую мембрану.

Распад цАМФ зависит от активности фосфодиэстеразы, которая, в свою очередь, контролируется ионами Са<sup>2+</sup> и кальмодулином.

**Увеличение цАМФ** в клетке приводит к активации цАМФ-зависимой протеинкиназы (протеинкиназа A). В неактивной форме этот фермент представляет собой тетрамерный белок, состоящий из двух регуляторных (R) и двух каталитических (С) субъединиц. Каталитические субъединицы приобретают активность только после диссоциации комплекса, которая происходит вследствие присоединения 4 молекул цАМФ к 2 регуляторным субъединицам. (рисунок ниже)

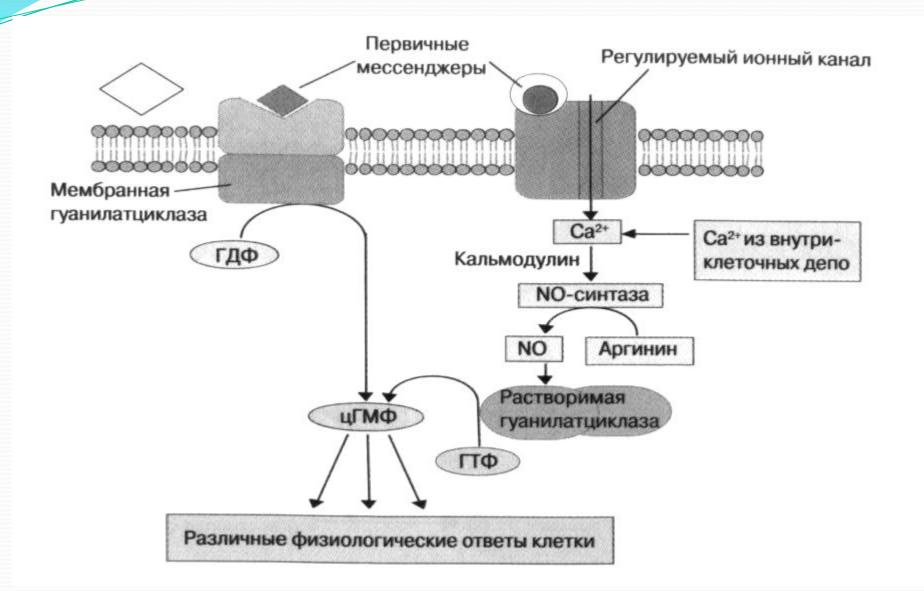
# $R_2C_2 + 4$ цАМФ $\to (R \cdot цАМФ_2)_2 + 2C$ неактивная форма активная форма



Механизм активации ПК-А.

Субстратами для протеинкиназы А могут быть ионных каналов, ионообменников, транспортных АТФ-аз, цитоскелета, ферменты, белки рибосом, ядерные белки и др. Все эти будут фосфорилироваться субстраты протеникиназой А по остаткам серина и треонина. Фосфорилирование белков будет изменять их активность как в увеличения, так и уменьшения. функциональное состояние цАМФ-зависимой сигнальной системы способны оказывать влияние вещества различной природы.  $\rightarrow$ 

Дитерпен растительного происхождения форсколин непосредственно активирует Ингибиторы фосфодиэстеразы потенциируют эффекты цАМФ, замедляя процесс его распада. Получены синтетические соединения, способные модулировать активность ПК-А. Все названные находят применение в изучении вещества физиологии цАМФ-зависимой сигнальной системы, некоторые используются как лекарственные (спазмолитики группы теофилина, вещества папаверин).



# Спасибо за внимание!